

综述

肠道微生物-肠-脑轴与卒中后认知障碍的相关性研究进展

吕转¹, 王亚敏², 刘瑞东³, 苏凯奇¹, 吴明莉¹, 张铭¹, 高静¹, 冯晓东^{1*}

¹河南中医药大学第一附属医院康复中心, 河南郑州 450000; ²河南中医药大学康复医学院, 河南郑州 450046;

³河南中医药大学第一附属医院乳腺外科, 河南郑州 450000

[中图分类号] R743.3

[文献标志码] A

[DOI] 10.11855/j.issn.0577-7402.0992.2024.0130

[声明] 本文所有作者声明无利益冲突

[引用本文] 吕转, 王亚敏, 刘瑞东, 等. 肠道微生物-肠-脑轴与卒中后认知障碍的相关性研究进展[J]. 解放军医学杂志, 2024, 49(9): 1073-1079.

[收稿日期] 2023-07-25

[录用日期] 2023-11-24

[上线日期] 2024-01-30

[摘要] 卒中后认知障碍(PSCI)是卒中后常见的功能障碍, 严重影响患者的生活质量和正常功能。研究显示肠道微生物群失调与中枢神经系统疾病关系密切, 肠道菌群通过调节肠-脑轴可维持神经、代谢和免疫系统的稳定性, 对人类生理健康产生多方面的影响。众多研究发现, 肠道微生物-肠-脑轴在卒中及相关PSCI的发生和发展中发挥重要作用, 调节肠道微生物-肠-脑轴有望成为PSCI治疗的潜在靶标。本文对肠道微生物-肠-脑轴与PSCI的相关性研究进展进行综述, 以期为相关的机制探索和临床防治提供参考。

[关键词] 卒中后认知障碍; 肠道微生物-肠-脑轴; 血脑屏障; 中枢炎症

Research progress on the relation between gut microbiome-gut-brain axis and post-stroke cognitive impairment

Lyu Zhuan¹, Wang Ya-Min², Liu Rui-Dong³, Su Kai-Qi¹, Wu Ming-Li¹, Zhang Ming¹, Gao Jing¹, Feng Xiao-Dong^{1*}

¹Department of Rehabilitation, ³Department of Breast Surgery, the First Affiliated Hospital of Henan University of Chinese Medicine, Zhengzhou, Henan 450000, China

²School of Rehabilitation Medicine, Henan University of Chinese Medicine, Zhengzhou, Henan 450046, China

*Corresponding author, E-mail: fxd0502@163.com

This work was supported by the National Natural Science Foundation of China (U2004131, 82174473), and the Special Project on Traditional Chinese Medicine Research in Henan Province (2022JDZX028)

[Abstract] Post-stroke cognitive impairment (PSCI) is a prevalent functional impairments following stroke that seriously affects patients' quality of life and daily activities. Studies indicate a close relationship between intestinal microflora dysbiosis and central nervous system diseases. Intestinal microflora profoundly impacts on human physiological health, contributing to the stability of nervous, metabolic and immune systems through regulation of the gut-brain axis. An increasing number of studies confirmed the important role of the gut microbiome-gut-brain axis in the occurrence and development of stroke and its associated PSCI, and regulation of microbiome-gut-brain could be potential target to treatment of PSCI. This review summarizes research progress on gut microbiome-gut-brain axis and PSCI to provide a reference for exploration of related mechanisms and clinical prevention and treatment strategies.

[Keywords] post-stroke cognitive impairment; gut microbiome-gut-brain axis; blood brain barrier; neuroinflammation

卒中是全球高发病率和高致残率的疾病^[1-2]。卒中后认知障碍(post-stroke cognitive impairment, PSCI)是卒中发病后1年内常见的功能障碍之一。卒中患

者的PSCI发生率为7.4%~41.3%, 严重影响患者的生活质量和正常功能^[3-4]。PSCI的诊断通常需要3个月甚至更长时间, 其具体发生机制尚不明确, 临床治

[基金项目] 国家自然科学基金(U2004131, 82174473); 河南省中医药科学研究专项课题(2022JDZX028)

[作者简介] 吕转, 主治医师, 主要从事卒中后功能障碍的中西医康复基础与临床研究

[通信作者] 冯晓东, E-mail: fxd0502@163.com

疗手段有限^[5]。近年研究显示，神经系统疾病的发生与肠道微生物群失调密切相关，肠道菌群可通过调节肠-脑轴而维持神经、代谢和免疫系统的稳定性，对人类生理健康产生多方面的影响；肠道微生物-肠-脑轴在卒中及相关PSCI的发生和发展中发挥重要作用^[5-6]。本文对近年肠道微生物-肠-脑轴与PSCI的相关性研究进展进行综述，旨在为探索PSCI机制及其防治研究提供参考。

1 肠道微生物-肠-脑轴

肠道菌群是指肠道中复杂多样的微生物群，作为一个复杂的生态系统，由数量众多的细菌、病毒、螺旋体、真菌等组成。这些微生物与宿主存在共生关系，生理状态下并无致病性，其中以细菌数量最多^[7-8]，它们的整个基因组被称为“人类微生物组”。在出生前，胎儿的肠道是无菌的；分娩后几个小时，在环境、饮食、母体转移甚至早期抗生素的使用等外部因素影响下，每个婴儿都形成了与成人相似的肠道微生物群，在1岁时其组成和数量达到稳定状态^[9-10]。人体的肠道微生物群主要由拟杆菌门、放线菌门、厚壁菌门、变形菌门等组成^[11]。肠道微生物群与人体新陈代谢、肠道内稳态、宿主免疫反应及神经行为效应相关^[12]。稳定且多样化的肠道微生物群可产生促进生理和代谢过程的代谢物，有利于人体健康^[13]，其主要通过3个主要功能来维持正常的稳态^[14-15]：(1)通过营养竞争帮助并保护宿主免受病原菌感染；(2)刺激先天免疫，限制毒素的产生和病原微生物渗透入肠道组织，从而调节肠道敏感度和耐受性；(3)通过将不易消化的膳食纤维和三糖和四糖代谢为可产生B族维生素的单糖来促进营养吸收。肠道微生态失调可导致认知功能障碍、抑郁症、焦虑症等多种神经系统疾病^[16-19]。

肠-脑轴是指胃肠道与中枢神经系统之间的双向信号转导机制^[20-21]。多项研究发现，肠道微生物可通过肠-脑轴影响人脑的发育及功能。1880年，William James和Carl Lange首次提出“肠-脑轴”，并阐释了这些相互作用的复杂性。具体来说，肠-脑轴网络系统包括大脑、脊髓、下丘脑-垂体-肾上腺(hypothalamic-pituitary-adrenal, HPA)轴、肠道神经系统、自主神经系统和中枢神经系统^[22-23]。该系统组成了一个复杂的通信网络系统，不但可适当维持胃肠道稳态，而且可影响大脑的发育、情绪和认知功能^[24]。肠道微生物可通过迷走神经、免疫系统、HPA轴、代谢通路及产生的微生物代谢物影响肠-脑轴的功能^[25]。在认知障碍疾病中，肠道与大脑之间的相互交流起重要作用，肠道微生物可产生神经活性因子，促进肠道与大脑之间的交流。由乳酸杆菌、

双歧杆菌、肠球菌产生的神经递质(如乙酰胆碱、5-羟色胺)可直接或间接影响脑细胞的生理功能；同时，中枢神经系统产生行为、情绪、睡眠等所需的神经递质5-羟色胺90%是在肠道中产生的^[26-27]。肠道微生物群在血脑屏障(blood brain barrier, BBB)的形成、小胶质细胞的成熟及活化、神经生长过程中可发挥重要作用。胃肠道内各种细菌可激活相关神经通路和中枢神经系统^[28]。肠道微生物的主要代谢产物短链脂肪酸(short-chain fatty acids, SCFAs)，在肠道微生物-肠-脑轴的双向传导中起关键作用^[29]。越来越多证据支持SCFAs可影响大脑的重要生理功能，其可通过肠道屏障和BBB，到达中枢神经系统并在细胞内积累；这些代谢物可影响中枢神经炎症反应及小胶质细胞的活化，从而改变神经元的通信和行为。另有研究显示，肠道微生物群与大脑之间的任何通信途径的中断都可能引发炎症反应。肠道微生物产生的分子和代谢物，可触发机体内的细胞因子反应，诱发肠道炎症及全身系统炎症反应，甚至引起中枢神经系统炎症，促进神经系统疾病的发生和发展^[30-31]。

2 肠道微生物-肠-脑轴与PSCI的相关性研究进展

2.1 SCFAs在PSCI中的作用

SCFAs包括乙酸、丙酸、丁酸和戊酸^[29,32-33]，可通过维持肠道屏障的完整性，预防肠道炎症，维持肠道的健康。丁酸盐通过激活腺嘌呤核糖核苷酸(adenosine monophosphate, AMP)活化蛋白激酶或下调Claudin2的表达，调节紧密连接蛋白以增强肠道屏障功能^[34-35]。SCFAs是肠道与大脑沟通的主要信号分子，其经免疫和循环系统，再穿过BBB入脑，调节神经元及小胶质细胞的生长、发育、成熟以及神经递质的释放^[36-37]。大脑摄取的SCFAs以丁酸盐、丙酸盐和乙酸盐较多。研究显示，人脑组织中丁酸盐、丙酸盐的平均浓度分别为17.0 pmol/mg、18.8 pmol/mg^[29,38]。研究显示，大脑中动脉栓塞(middle cerebral artery occlusion, MCAO)模型大鼠粪便SCFAs中的丁酸、乙酸、丙酸浓度均低于对照组，提示SCFAs浓度与脑缺血再灌注疾病的发展密切相关^[39]。丁酸盐是中枢神经系统的重要调节剂，口服丁酸钠可明显促进Akt磷酸化，抑制小胶质细胞活化，减少脑梗死面积及神经元凋亡，明显改善卒中患者认知功能^[40]。组蛋白去乙酰化与大脑发育和一系列神经精神疾病有关，组蛋白去乙酰化抑制剂可增强认知功能，而SCFAs可介导组蛋白去乙酰化的抑制，对大脑发挥作用。一项研究显示，对存在学习记忆障碍小鼠腹腔内注射丁酸钠[1.2 g/(kg·d)，持续4周]，可对组蛋白去乙酰化起到慢性抑制作用，进而明显改善认知障碍小鼠的学习记忆。

功能^[41]。同时，SCFAs 可影响神经发生、增殖和凋亡相关基因的表达，促进人神经祖细胞的生长和胚胎干细胞分化为神经元，并通过影响神经递质和神经营养因子的浓度调控大脑功能^[42-43]。因此，SCFAs 可在 PSCI 疾病中发挥重要作用。

2.2 肠道炎症和肠道屏障在 PSCI 中的作用 肠道屏障由黏液层、肠上皮和固有层组成。肠道微生态失调致使细菌和有害代谢物迁移至血液循环中，可导致肠道及局部的炎症反应和肠道屏障通透性增加，称为肠漏综合征^[44-46]。结肠的黏液层可隔离大量细菌，而小肠的黏液层则不能阻止细菌穿透^[47]。肠道微生物群的组成可影响肠道黏液层的特性，大量降解黏液层的细菌可改善肠道屏障功能，减轻肠道及全身的炎症反应^[48-49]。部分益生菌如植物乳杆菌、大肠杆菌和婴儿双歧杆菌可增强肠道屏障功能，提高紧密连接蛋白的表达水平^[50]。而部分细菌产生的外毒素可破坏肠道上皮细胞的完整性，如弧菌、志贺氏菌、大肠杆菌、幽门螺杆菌、沙门菌和梭状芽孢杆菌等可介导肠道紧密连接的变化^[45]；脆弱拟杆菌的外毒素可通过裂解钙黏附蛋白(epithelia cadherin, E-cadherin)来破坏肠道紧密连接。研究显示，缺血性卒中患者常出现胃肠道功能紊乱症状，考虑可能与肠道微生态失衡导致肠道屏障功能破坏有关^[51]。动物实验研究显示，MCAO 模型小鼠的肠道屏障功能和肠道动力下降，且其肠道菌群组成变化与胃肠道症状可能存在联系^[52]。肠-脑轴通过肠道菌群与大脑双向交流，在卒中发展和转归中起着重要作用，其中神经递质的产生与 PSCI 发展密切相关^[53]。肠道黏膜由特殊的肠外神经支配，属于自主神经系统(交感神经和迷走神经)。卒中后去甲肾上腺素大量释放以及乙酰胆碱减少导致肠道黏液蛋白的产生发生变化。肠道通透性增加被认为与促肾上腺皮质激素释放、糖皮质激素的激活以及细菌定位的重排有关，与肠道屏障功能障碍相关的自主神经系统失调可能会导致卒中及相关功能障碍等^[54-55]。在缺血性卒中疾病中，小肠中调节性 T 细胞水平增高，其可分泌抗炎细胞因子 IL-10 起到保护作用^[56]。由此可知，PSCI 疾病发展过程中存在肠道屏障通透性增加及较高的肠道炎症水平。

2.3 神经炎症和 BBB 在 PSCI 中的作用 小胶质细胞是脑中重要的免疫细胞，可与大脑内的神经元串扰或接收来自外周循环的细胞因子信号，然后释放趋化因子，以激活淋巴细胞通过内皮细胞的迁移^[50,57]。病理条件下，小胶质细胞可分泌多种趋化因子或使单核细胞分泌炎性因子导致神经炎症反应。脑缺血后细胞进入释放危险相关分子模式(danger-associated molecular patterns, DAMPs)，小胶质细胞的促炎表型

被激活，继而释放促炎因子，加重炎症反应和脑损伤^[58]。BBB 是一种复杂的功能和解剖结构，由微血管内皮细胞、周细胞、小胶质细胞、星形胶质细胞与神经元结合形成^[59-60]。物质通过 BBB 在血液循环与脑实质之间通过两种方式转运，包括跨细胞囊泡转运和细胞旁途径。黏附连接的丢失会导致 BBB 通透性增加，紧密连接主要负责物质的细胞旁扩散^[61]。BBB 的完整性对于维持脑内稳态和防止异物侵入脑组织具有重要意义，可保护大脑免受神经元的破坏及其他病原体和有害免疫反应的侵害^[62]。脂多糖(lipopolysaccharide, LPS)为全身炎症的重要标志物，其水平较高时可与免疫细胞上的跨膜识别受体家族的成员 Toll 样受体(Toll-like receptors, TLR)4 结合，促进一系列促炎细胞因子的产生，引起全身炎症反应，使脑微血管内皮细胞电阻下降，进而导致 BBB 的破坏^[63-64]。在缺血性卒中损伤期间，大脑中的小胶质细胞分泌促炎细胞因子，BBB 的紧密连接和黏附连接被破坏，致使大分子毒性代谢物、病原体、病毒等通过破坏的 BBB 进入大脑，从而加剧疾病进展^[65]。对轻度认知障碍患者脑脊液进行研究显示，周细胞有明显损伤，提示 BBB 的完整性与认知障碍具有一定的相关性^[66]。近年研究发现，肠道微生物失衡时，大肠杆菌、脆弱拟杆菌等革兰阴性菌会生成大量 LPS，进而导致肠道屏障和 BBB 通透性增加，诱发全身系统炎症及神经炎症，导致神经退行性病变。SCFAs 可促进肠道屏障的完整性以维持肠道健康，其部分还可进入全身循环，使位于脑血管上皮细胞的转运蛋白穿过 BBB^[66-67]。Braniste 等^[68]报道，与无特定病原体(specific pathogen free, SPF)小鼠相比，无菌小鼠紧密连接蛋白 occludin 和 claudin 5 的表达水平下降，BBB 通透性增加；将 SPF 小鼠的粪便微生物群或生产 SCFAs 的菌群移植到无菌小鼠体内，可明显恢复无菌小鼠 BBB 的功能。因此，在 PSCI 疾病进程中存在 BBB 完整性被破坏及较强的神经炎症反应。

3 PSCI 肠道微生物及其代谢物的特点

近年研究显示，在中枢神经系统疾病进展过程中，肠道微生物及其代谢物可发挥关键作用^[69-70]。Liu 等^[3]分析了 PSCI 与肠道菌群的相关性，结果显示 PSCI 后肠道菌群及其代谢物可导致与健康人群不同的一系列改变，提出 PSCI 进展过程中肠道菌群及其代谢物发挥着关键作用；与健康人群相比，PSCI 患者肠道菌群的多样性显著降低，微生物组成及相应的代谢物受到干扰，其中梭菌增多和 SCFAs 缺乏，而改善 PSCI 可能需要补充大剂量 SCFAs 或产生 SCFAs 的益生菌。一项临床研究显示，PSCI 患者粪便中肠杆菌科丰度明显增加，产丁酸盐的细菌丰度

和丁酸盐水平显著降低；将PSCI患者的肠道菌群转移至MCAO模型小鼠体内，小鼠表现出更高丰度的肠杆菌科和更低的丁酸盐水平，而给予抗生素和丁酸盐治疗后，PSCI小鼠中肠杆菌科丰度明显降低^[71]。另一研究使用16S rDNA检测PSCI患者肠道菌群发现，拟杆菌门、放线菌门和厚壁菌门中的特定菌丰度明显降低，而变形杆菌、克雷伯菌、肠球菌等致病菌丰度明显升高^[52]。由此可知，在PSCI患者中肠道微生物特点主要表现为有益菌相对丰度较低，条件致病菌相对丰度较高，且肠道微生物代谢物SCFAs中丁酸、乙酸等含量明显降低。肠道微生物影响PSCI的相关机制见图1。

4 肠道微生物群调节作为PSCI的治疗靶点

通过了解肠道微生物及其代谢物在PSCI发病机制中的作用，以及肠道通透性增加与肠道、全身系统炎症反应，BBB通透性增加与中枢炎症反应和PSCI之间的密切联系，为PSCI的干预治疗提供了潜在的靶点^[72-73]。

大量研究显示，SCFAs在PSCI过程中调控BBB、小胶质细胞、神经炎症、神经元凋亡和神经营养因子而发挥作用^[74-75]。口服丁酸盐治疗可降低无菌小鼠BBB的通透性，并使其肠道微生物的菌群变化恢复至与无特定病原体小鼠相近的水平^[76]。丙酸通过降低大肠杆菌的丰度，进而保护LPS诱导的紧密连接蛋白occludin、claudin 5，起到保护BBB完整性的作用^[68]。相关研究显示，部分进入中枢神经系统的SCFAs具有神经活性，通过血脑灌流吸收的乙酸可明显影响下丘脑中神经递质氨基丁酸、谷氨酰胺和谷氨酸的水平，丙酸和丁酸可诱导酪氨酸羟化酶基因转录水平增高，还可参与多巴胺、肾上腺素和去甲肾上腺素的生物合成^[77-78]。丁酸盐还可通过提升神经生长因子、神经营养因子、胶质细胞衍生神经营养因子等的水平，影响神经元及突触的生长、分化，对大脑学习记忆认知功能的改善发挥重要作用^[75]。

众多研究显示，益生菌的有益作用是通过增强肠道上皮的完整性，防止肠道屏障破坏，减少肠道及全身炎症反应，改善BBB通透性，以及抑制神经炎症和神经变性实现的^[55,79]。体外研究显示粪肠球菌和鼠李糖乳杆菌可减少促炎因子TNF- α 的产生，实验动物服用这些益生菌菌株可明显降低氧化应激指标并诱导大脑中的抗氧化酶^[80]。较多的动物实验研究报道了乳酸杆菌和双歧杆菌的治疗潜力^[81-82]。另有研究显示，益生菌可减轻LPS诱导的神经炎症反应和记忆认知缺陷障碍，并可抑制乙酰胆碱酯酶和抗氧化酶的活性^[82]。在脑缺血再灌注动物模型中，使用益生菌酪酸梭菌治疗，可减轻脑缺血再灌注损

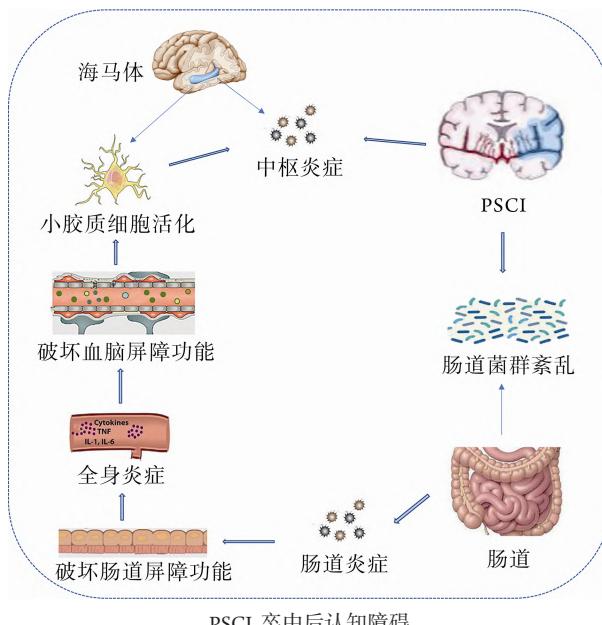


图1 肠道微生物影响PSCI的相关机制

Fig. 1 The effects and role of gut microbiome on post-stroke cognitive impairment

伤，并通过抗细胞凋亡作用起到神经保护作用^[83]。另一项卒中模型小鼠研究显示，使用益生菌，如嗜酸乳杆菌、干酪乳杆菌、短双歧杆菌和保加利亚乳杆菌等预处理后，脑缺血减少了约52%，神经系统症状也有明显缓解^[84]。

粪便微生物群移植是将粪便微生物从健康志愿者移植到患者体内，以调节患者肠道微生物群改变及肠道微生物群组成，其可通过鼻饲管、上内镜、结肠镜检测、乙状结肠镜检查、保留灌肠或胶囊给药。粪便微生物群移植目前可作为部分神经精神疾病和神经退行性疾病的有效治疗措施^[85]。Zhan等^[86]报道，先用广谱抗生素进行持续14 d治疗后，将健康小鼠的粪便菌群移植到衰老伴认知障碍小鼠体内后，认知障碍小鼠的空间学习和记忆力明显改善。Lee等^[87]将青年小鼠粪便微生物植入老年卒中小鼠后，老年卒中小鼠的肠道微生物群发生了改变，认知功能增强，进一步研究显示这一变化与年轻小鼠粪便中含有较多的SCFAs产生菌株有关。Chen等^[39]研究显示，移植富含SCFAs的粪便微生物群可促进缺血性卒中大鼠体内丁酸浓度明显上升，从而有效治疗卒中认知功能障碍。另有研究显示，粪便微生物群移植可改变神经功能障碍小鼠的肠道菌群，改善BBB通透性，抑制小胶质细胞和星形胶质细胞的活化，提示粪便移植可作为神经功能障碍的潜在治疗方法^[55,88]。

5 总结与展望

综上所述，越来越多的研究支持肠道微生物及

其代谢物通过肠-脑轴在PSCI进展中发挥重要作用。PSCI患者中存在肠道微生态失衡、有益菌丰度降低且条件致病菌丰度升高，肠道微生物代谢物SCFAs中的丁酸、乙酸含量降低。同时，致病菌菌株会损害肠道屏障的完整性，引起肠道及全身炎症反应，促使循环LPS含量升高，破坏BBB的完整性，诱导小胶质细胞活化，促使神经炎症反应和神经元的破坏，最终导致认知功能障碍。而肠道有益菌及丁酸、乙酸等可通过维持肠道屏障的完整性，调节神经递质、神经营养因子，抑制小胶质细胞的活化，维持BBB的完整性，以及减轻全身炎症及神经炎症反应等改善PSCI患者的认知功能。因此，通过服用乳酸杆菌、双歧杆菌等益生菌及丁酸盐、丙酸盐等SCFAs，或通过粪便微生物移植治疗，有可能改善PSCI患者的认知功能。这提示调节肠道微生物-肠-脑轴可作为PSCI治疗的潜在靶标。

【参考文献】

- [1] Campbell BCV, Khatri P. Stroke[J]. Lancet, 2020, 396(10244): 129-142.
- [2] Chen XY, Wan SF, Yao NN, et al. Inhibition of the immunoproteasome LMP_2 ameliorates ischemia/hypoxia? induced blood-brain barrier injury through the Wnt/β-catenin signalling pathway[J]. Mil Med Res, 2022, 9(4): 404-418.
- [3] Liu Y, Kong C, Gong L, et al. The association of post-stroke cognitive impairment and gut microbiota and its corresponding metabolites[J]. J Alzheimers Dis, 2020, 73(4): 1455-1466.
- [4] Mijajlović MD, Pavlović A, Brainin M, et al. Post-stroke dementia - a comprehensive review[J]. BMC Med, 2017, 15(1): 11.
- [5] Teng Z, Dong Y, Zhang D, et al. Cerebral small vessel disease and post-stroke cognitive impairment[J]. Int J Neurosci, 2017, 127(9): 824-830.
- [6] Angoorani P, Ejtahed HS, Siadat SD, et al. Is there any link between cognitive impairment and gut microbiota? A systematic review[J]. Gerontology, 2022, 68(11): 1201-1213.
- [7] Schloissnig S, Arumugam M, Sunagawa S, et al. Genomic variation landscape of the human gut microbiome[J]. Nature, 2013, 493 (7430): 45-50.
- [8] Turnbaugh PJ, Ley RE, Hamady M, et al. The human microbiome project[J]. Nature, 2007, 449(7164): 804-810.
- [9] Palmer C, Bik EM, D'Elia DB, et al. Development of the human infant intestinal microbiota[J]. PLoS Biol, 2007, 5(7): e177.
- [10] Russo R, Cristiano C, Avagliano C, et al. Gut-brain axis: role of lipids in the regulation of inflammation, pain and CNS diseases[J]. Curr Med Chem, 2018, 25(32): 3930-3952.
- [11] Lloyd-Price J, Arze C, Ananthakrishnan AN, et al. Multi-omics of the gut microbial ecosystem in inflammatory bowel diseases[J]. Nature, 2019, 569(7758): 655-662.
- [12] Lynch SV, Pedersen O. The human intestinal microbiome in health and disease[J]. N Engl J Med, 2016, 375(24): 2369-2379.
- [13] Mirzaei R, Bouzari B, Hosseini-Fard SR, et al. Role of microbiota-derived short-chain fatty acids in nervous system disorders[J]. Biomed Pharmacother, 2021, 139: 111661.
- [14] O'hara AM, Shanahan F. The gut flora as a forgotten organ[J]. EMBO Rep, 2006, 7(7): 688-693.
- [15] Saus E, Iraola-Guzmán S, Willis JR, et al. Microbiome and colorectal cancer: roles in carcinogenesis and clinical potential[J]. Mol Aspects Med, 2019, 69: 93-106.
- [16] Fidelle M, Yonekura S, Picard M, et al. Resolving the paradox of colon cancer through the integration of genetics, immunology, and the microbiota[J]. Front Immunol, 2020, 11: 600886.
- [17] Fasano A. All disease begins in the (leaky) gut: role of zonulin-mediated gut permeability in the pathogenesis of some chronic inflammatory diseases[J]. F1000Res, 2020, 9: F1000 Faculty Rev-69.
- [18] Sarkar A, Harty S, Lehto SM, et al. The microbiome in psychology and cognitive neuroscience[J]. Trends Cogn Sci, 2018, 22(7): 611-636.
- [19] Sorini C, Cosorich I, Lo Conte M, et al. Loss of gut barrier integrity triggers activation of islet-reactive T cells and autoimmune diabetes [J]. Proc Natl Acad Sci U S A, 2019, 116(30): 15140-15149.
- [20] Bonaz B, Sinniger V, Pellissier S. The vagus nerve in the neuro-immune axis: implications in the pathology of the gastrointestinal tract[J]. Front Immunol, 2017, 8: 1452.
- [21] 彭高强, 文颖娟, 全武宁, 等. 肠道微生物代谢产物短链脂肪酸对抑郁症的作用研究进展[J]. 解放军医学杂志, 2023, 48 (2): 224-230.
- [22] Keller J, Gomez R, Williams G, et al. HPA axis in major depression: cortisol, clinical symptomatology and genetic variation predict cognition[J]. Mol Psychiatry, 2017, 22(4): 527-536.
- [23] Erny D, Hrabě de Angelis AL, Jaitin D, et al. Host microbiota constantly control maturation and function of microglia in the CNS [J]. Nat Neurosci, 2015, 18(7): 965-977.
- [24] Naveed M, Zhou QG, Xu C, et al. Gut-brain axis: a matter of concern in neuropsychiatric disorders...! [J]. Prog Neuropsychopharmacol Biol Psychiatry, 2021, 104: 110051.
- [25] Sherwin E, Dinan TG, Cryan JF. Recent developments in understanding the role of the gut microbiota in brain health and disease[J]. Ann NY Acad Sci, 2018, 1420(1): 5-25.
- [26] Rothhammer V, Borucki DM, Tjon EC, et al. Microglial control of astrocytes in response to microbial metabolites[J]. Nature, 2018, 557(7707): 724-728.
- [27] de Vos WM, Tilg H, van Hul M, et al. Gut microbiome and health: mechanistic insights[J]. Gut, 2022, 71(5): 1020-1032.
- [28] Morais LH, Schreiber HLT, Mazmanian SK. The gut microbiota-brain axis in behaviour and brain disorders[J]. Nat Rev Microbiol, 2021, 19(4): 241-255.
- [29] Silva YP, Bernardi A, Frozza RL. The role of short-chain fatty acids from gut microbiota in gut-brain communication[J]. Front Endocrinol (Lausanne), 2020, 11: 25.
- [30] Rutsch A, Kantsjö J B, Ronchi F. The gut-brain axis: how microbiota and host inflammasome influence brain physiology and pathology[J]. Front Immunol, 2020, 11: 604179.
- [31] Stasi C, Sadalla S, Milani S. The relationship between the serotonin metabolism, gut-microbiota and the gut-brain axis[J]. Curr Drug Metab, 2019, 20(8): 646-655.
- [32] O'riordan KJ, Collins MK, Moloney GM, et al. Short chain fatty acids: microbial metabolites for gut-brain axis signalling[J]. Mol Cell Endocrinol, 2022, 546: 111572.
- [33] Srikantha P, Mohajeri MH. The possible role of the microbiota-gut-

- brain-axis in autism spectrum disorder[J]. *Int J Mol Sci*, 2019, 20(9): 2115.
- [34] Peng L, Li ZR, Green RS, et al. Butyrate enhances the intestinal barrier by facilitating tight junction assembly via activation of AMP-activated protein kinase in Caco-2 cell monolayers[J]. *J Nutr*, 2009, 139(9): 1619-1625.
- [35] Martin-Gallausiaux C, Marinelli L, Blottière HM, et al. SCFA: mechanisms and functional importance in the gut[J]. *Proc Nutr Soc*, 2021, 80(1): 37-49.
- [36] Yissachar N, Zhou Y, Ung L, et al. An intestinal organ culture system uncovers a role for the nervous system in microbe-immune crosstalk [J]. *Cell*, 2017, 168(6): 1135-1148.e12.
- [37] 刘环环, 李瑞青, 苏凯奇, 等. 短链脂肪酸对脑卒中的保护作用机制及其与脑卒中后认知障碍关系的研究进展[J]. 中国全科医学, 2022, 25(3): 380-386.
- [38] Ratajczak W, Ryl A, Mizerski A, et al. Immunomodulatory potential of gut microbiome-derived short-chain fatty acids (SCFAs)[J]. *Acta Biochim Pol*, 2019, 66(1): 1-12.
- [39] Chen R, Xu Y, Wu P, et al. Transplantation of fecal microbiota rich in short chain fatty acids and butyric acid treat cerebral ischemic stroke by regulating gut microbiota[J]. *Pharmacol Res*, 2019, 148: 104403.
- [40] Zhou Z, Xu N, Matei N, et al. Sodium butyrate attenuated neuronal apoptosis via GPR41/G $\beta\gamma$ /PI3K/Akt pathway after MCAO in rats [J]. *J Cereb Blood Flow Metab*, 2021, 41(2): 267-281.
- [41] Fischer A, Sananbenesi F, Wang X, et al. Recovery of learning and memory is associated with chromatin remodelling[J]. *Nature*, 2007, 447(7141): 178-182.
- [42] Guo Y, Wang S, Chao X, et al. Multi-omics studies reveal ameliorating effects of physical exercise on neurodegenerative diseases[J]. *Front Aging Neurosci*, 2022, 14: 1026688.
- [43] Cserép C, Pósfaí B, Lénárt N, et al. Microglia monitor and protect neuronal function through specialized somatic purinergic junctions [J]. *Science*, 2020, 367(6477): 528-537.
- [44] Potgieter M, Bester J, Kell DB, et al. The dormant blood microbiome in chronic, inflammatory diseases[J]. *FEMS Microbiol Rev*, 2015, 39(4): 567-591.
- [45] König J, Wells J, Cani PD, et al. Human intestinal barrier function in health and disease[J]. *Clin Transl Gastroenterol*, 2016, 7(10): e196.
- [46] di Tommaso N, Gasbarrini A, Ponziani FR. Intestinal barrier in human health and disease[J]. *Int J Environ Res Public Health*, 2021, 18(23): 12836.
- [47] Jakobsson HE, Rodríguez-Piñeiro AM, Schütte A, et al. The composition of the gut microbiota shapes the colon mucus barrier [J]. *EMBO Rep*, 2015, 16(2): 164-177.
- [48] Alkasir R, Li J, Li X, et al. Human gut microbiota: the links with dementia development[J]. *Protein Cell*, 2017, 8(2): 90-102.
- [49] Everard A, Belzer C, Geurts L, et al. Cross-talk between Akkermansia muciniphila and intestinal epithelium controls diet-induced obesity[J]. *Proc Natl Acad Sci U S A*, 2013, 110(22): 9066-9071.
- [50] Bischoff SC, Barbara G, Buurman W, et al. Intestinal permeability--a new target for disease prevention and therapy[J]. *BMC Gastroenterol*, 2014, 14: 189.
- [51] Choi VM, Herrou J, Hecht AL, et al. Activation of *Bacteroides fragilis* toxin by a novel bacterial protease contributes to anaerobic sepsis in mice[J]. *Nat Med*, 2016, 22(5): 563-567.
- [52] Singh V, Roth S, Llovera G, et al. Microbiota dysbiosis controls the neuroinflammatory response after stroke[J]. *J Neurosci*, 2016, 36(28): 7428-7440.
- [53] Lyte M. Probiotics function mechanistically as delivery vehicles for neuroactive compounds: microbial endocrinology in the design and use of probiotics[J]. *Bioessays*, 2011, 33(8): 574-581.
- [54] Caso JR, Hurtado O, Pereira MP, et al. Colonic bacterial translocation as a possible factor in stress-worsening experimental stroke outcome[J]. *Am J Physiol Regul Integr Comp Physiol*, 2009, 296(4): R979-R985.
- [55] Koszewicz M, Jaroch J, Brzecka A, et al. Dysbiosis is one of the risk factor for stroke and cognitive impairment and potential target for treatment[J]. *Pharmacol Res*, 2021, 164: 105277.
- [56] Benakis C, Martin-Gallausiaux C, Trezzi JP, et al. The microbiome-gut-brain axis in acute and chronic brain diseases[J]. *Curr Opin Neurobiol*, 2020, 61: 1-9.
- [57] Anwar S, Rivest S. Alzheimer's disease: microglia targets and their modulation to promote amyloid phagocytosis and mitigate neuroinflammation[J]. *Expert Opin Ther Targets*, 2020, 24(4): 331-344.
- [58] Iadecola C, Buckwalter MS, Anrather J. Immune responses to stroke: mechanisms, modulation, and therapeutic potential[J]. *J Clin Invest*, 2020, 130(6): 2777-2788.
- [59] Segarra M, Aburto MR, Acker-Palmer A. Blood-brain barrier dynamics to maintain brain homeostasis[J]. *Trends Neurosci*, 2021, 44(5): 393-405.
- [60] Ohtsuki S, Terasaki T. Contribution of carrier-mediated transport systems to the blood-brain barrier as a supporting and protecting interface for the brain; importance for CNS drug discovery and development[J]. *Pharm Res*, 2007, 24(9): 1745-1758.
- [61] Huang Z, Wong LW, Su Y, et al. Blood-brain barrier integrity in the pathogenesis of Alzheimer's disease[J]. *Front Neuroendocrinol*, 2020, 59: 100857.
- [62] Welcome MO. Gut microbiota disorder, gut epithelial and blood-brain barrier dysfunctions in etiopathogenesis of dementia: molecular mechanisms and signaling pathways[J]. *Neuromolecular Med*, 2019, 21(3): 205-226.
- [63] Fitzgerald KA, Kagan JC. Toll-like receptors and the control of immunity[J]. *Cell*, 2020, 180(6): 1044-1066.
- [64] Liu S, Gao J, Liu K, et al. Microbiota-gut-brain axis and Alzheimer's disease: implications of the blood-brain barrier as an intervention target[J]. *Mech Ageing Dev*, 2021, 199: 111560.
- [65] Yang J, Ran M, Li H, et al. New insight into neurological degeneration: inflammatory cytokines and blood-brain barrier[J]. *Front Mol Neurosci*, 2022, 15: 1013933.
- [66] Halliday MR, Rege SV, Ma Q, et al. Accelerated pericyte degeneration and blood-brain barrier breakdown in apolipoprotein E4 carriers with Alzheimer's disease[J]. *J Cereb Blood Flow Metab*, 2016, 36(1): 216-227.
- [67] Martin CR, Osadchy V, Kalani A, et al. The brain-gut-microbiome axis[J]. *Cell Mol Gastroenterol Hepatol*, 2018, 6(2): 133-148.
- [68] Braniste V, Al-Asmakh M, Kowal C, et al. The gut microbiota influences blood-brain barrier permeability in mice[J]. *Sci Transl Med*, 2014, 6(263): 263ra158.
- [69] Pluta R, Ułamek-Kozioł M, Januszewski S, et al. Gut microbiota and pro/prebiotics in Alzheimer's disease[J]. *Aging (Albany NY)*, 2020, 12(6): 5539-5550.

- [70] Yin J, Liao SX, He Y, et al. Dysbiosis of gut microbiota with reduced trimethylamine-N-oxide Level in patients with large-artery atherosclerotic stroke or transient ischemic attack[J]. *J Am Heart Assoc*, 2015, 4(11): e002699.
- [71] Wang H, Zhang M, Li J, et al. Gut microbiota is causally associated with poststroke cognitive impairment through lipopolysaccharide and butyrate[J]. *J Neuroinflammation*, 2022, 19(1): 76.
- [72] Mancuso C, Santangelo R. Alzheimer's disease and gut microbiota modifications: The long way between preclinical studies and clinical evidence[J]. *Pharmacol Res*, 2018, 129: 329-336.
- [73] Pluta R, Jabłoński M, Januszewski S, et al. Crosstalk between the aging intestinal microflora and the brain in ischemic stroke[J]. *Front Aging Neurosci*, 2022, 14: 998049.
- [74] Tu R, Xia J. Stroke and vascular cognitive impairment: The role of intestinal microbiota metabolite TMAO[J]. *CNS Neurol Disord Drug Targets*, 2024, 23(1): 102-121.
- [75] Hoyle L, Snelling T, Umlai UK, et al. Microbiome-host systems interactions: protective effects of propionate upon the blood-brain barrier[J]. *Microbiome*, 2018, 6(1): 55.
- [76] Hoyle L, Snelling T, Umlai UK, et al. Microbiome-host systems interactions: protective effects of propionate upon the blood-brain barrier[J]. *Microbiome*, 2018, 6(1): 55.
- [77] Boets E, Gomand SV, Deroover L, et al. Systemic availability and metabolism of colonic-derived short-chain fatty acids in healthy subjects: a stable isotope study[J]. *J Physiol*, 2017, 595(2): 541-555.
- [78] Frost G, Sleeth ML, Sahuri-Arisoylu M, et al. The short-chain fatty acid acetate reduces appetite via a central homeostatic mechanism[J]. *Nat Commun*, 2014, 5: 3611.
- [79] Plaza-Díaz J, Ruiz-Ojeda FJ, Vilchez-Padial LM, et al. Evidence of the anti-inflammatory effects of probiotics and synbiotics in intestinal chronic diseases[J]. *Nutrients*, 2017, 9(6): 555.
- [80] Divyashri G, Krishna G, Muralidhara, et al. Probiotic attributes, antioxidant, anti-inflammatory and neuromodulatory effects of *Enterococcus faecium* CFR 3003: *in vitro* and *in vivo* evidence[J]. *J Med Microbiol*, 2015, 64(12): 1527-1540.
- [81] Athari Nik Azm S, Djazayeri A, Safa M, et al. Lactobacilli and bifidobacteria ameliorate memory and learning deficits and oxidative stress in β -amyloid (1-42) injected rats[J]. *Appl Physiol Nutr Metab*, 2018, 43(7): 718-726.
- [82] Musa NH, Mani V, Lim SM, et al. Lactobacilli-fermented cow's milk attenuated lipopolysaccharide-induced neuroinflammation and memory impairment *in vitro* and *in vivo*[J]. *J Dairy Res*, 2017, 84(4): 488-495.
- [83] Sun X, Jiao X, Ma Y, et al. Trimethylamine N-oxide induces inflammation and endothelial dysfunction in human umbilical vein endothelial cells via activating ROS-TXNIP-NLRP3 inflammasome [J]. *Biochem Biophys Res Commun*, 2016, 481(1-2): 63-70.
- [84] Akhoundzadeh K, Vakili A, Shadnoush M, et al. Effects of the oral ingestion of probiotics on brain damage in a transient model of focal cerebral ischemia in mice[J]. *Iran J Med Sci*, 2018, 43(1): 32-40.
- [85] Nandwana V, Debbarma S. Fecal microbiota transplantation: a microbiome modulation technique for Alzheimer's disease[J]. *Cureus*, 2021, 13(7): e16503.
- [86] Zhan G, Yang N, Li S, et al. Abnormal gut microbiota composition contributes to cognitive dysfunction in SAMP8 mice[J]. *Aging (Albany NY)*, 2018, 10(6): 1257-1267.
- [87] Lee J, D'aigle J, Atadja L, et al. Gut microbiota-derived short-chain fatty acids promote poststroke recovery in aged mice[J]. *Circ Res*, 2020, 127(4): 453-465.
- [88] Li K, Wei S, Hu L, et al. Protection of fecal microbiota transplantation in a mouse model of multiple sclerosis[J]. *Mediators Inflamm*, 2020, 2020: 2058272.

(责任编辑: 蒋铭敏)